**CURRICULUM DELL'ATTIVITÀ SCIENTIFICA E DIDATTICA**

## Informazioni Personali


| | |
|---|---|
| Nome | **Gianvito Pio** |
| E-mail | gianvito.pio@uniba.it |
| Website | http://www.di.uniba.it/~gianvitopio/ |
| Occupazione Corrente | Professore Associato, Dipartimento di Informatica, Università degli Studi di Bari. **In possesso di Abilitazione Scientifica Nazionale alle funzioni di professore di I fascia di cui all'art. 16 della Legge n. 240/2010, Settori Scientifico Disciplinari INF/01 e ING-INF/05**. |


## Altri Ruoli Ricoperti

- MC Substitute della COST Action CA18131 "Statistical and machine learning techniques in human microbiome studies"
- Membro del laboratorio "Big Data" del Consorzio Interuniversitario Nazionale per l'Informatica (CINI)
- Membro del Centro Interdipartimentale di Telemedicina (CITEL)
- Membro del Centro Interdipartimentale di ricerca Digital Heritage (CEDITH)
- Membro del Consiglio di Amministrazione della startup Sensitrust LTD, con sede in 24 Tax Suite 137 B Westlink House 981 Great West Road, Brentford, United Kingdom, TW8 9DN.

## Istruzione e formazione

| | |
|---|---|
| Date | 23/06/2019 - 29/06/2019 |
| Nome e tipo di istituto | Università degli Studi di Padova |
| Corso | Scuola estiva di dottorato "Blockchain and Cryptocurrencies Security (BCS)" |
| Date | 01/11/2018 - 01/12/2018 |
| Nome e tipo di istituto | State University of New York, University at Buffalo |
| Corso | Corsi online Coursera su Blockchain Basics; Smart Contracts; Decentralized Applications (Dapps); Blockchain Platforms. |
| Date | 28/06/2017 - 29/06/2017 |
| Nome e tipo di istituto | SER&Practices S.r.l. - Spin-off dell'Università degli Studi di Bari Aldo Moro |
| Corso | Corso di formazione specialistica in Cyber Security dal titolo "Q-Radar Security Intelligence Platform" |
| Date | 13/02/2017 - 17/02/2017 |
| Nome e tipo di istituto | Università degli Studi di Bari Aldo Moro & Universitat Rovira i Virgili (Spain) |
| Corso | 3rd International Winter School on Big Data (BigDat 2017) |
| Date | 24/02/2012 - 15/05/2015 |
| Nome e tipo di istituto | Università degli Studi di Bari Aldo Moro, Dipartimento di Informatica |
| Corso | **Dottorato di Ricerca in Informatica, Ciclo XXVII** |
| Principali tematiche trattate | Data Mining and Knowledge Discovery, Bioinformatics, Social Network Analysis, Clustering/Co-Clustering e Multi-relational Data Mining. |
| Qualifica Conseguita | Dottore di ricerca in Informatica |
| Titolo Tesi | Sub-network identification and link prediction in heterogeneous networks |
| Date | 24/06/2013 - 28/06/2013 Benicàssim (Spagna) |
| Nome e tipo di istituto | Institute of New Imaging Technologies (INIT) - Spanish Association of Pattern Recognition and Image Analysis (AERFAI) |
| Corso | Scuola estiva di dottorato |

| | |
|---|---|
| Principali tematiche trattate | Learning Theory, Learning with Multiple Classifier Systems, Kernel Methods for Learning, Dissimilarity Representation for Classification, Transfer Learning and Adversarial Learning, Learning from Streaming Data, ROC Analysis and Performance Evaluation Metrics, Statistical Analysis of Experiments |
| Date | 2009 - 19/07/2011 |
| Nome e tipo di istituto | Università degli Studi di Bari Aldo Moro - Facoltà di Scienze MM.FF.NN. |
| Corso | Corso di Laurea in Informatica Magistrale |
| Qualifica Conseguita | Laurea di secondo livello - Votazione 110/110 e lode e plauso accademico - Media voti 30/30 |
| Titolo Tesi | TB-CREDIS: un sistema per la scoperta e rappresentazione di evoluzioni criminali da documenti testuali |
| Argomento Tesi | Definizione di una metodologia che faccia uso di tecniche di analisi di dati attiva (Data Mining), con relativa progettazione/implementazione di un sistema, per la scoperta di evoluzioni criminali nel tempo, in termini di tipologie di crimini commessi, a partire da documenti testuali (e.g., atti giudiziari, rapporti di polizia). |
| Date | 2006 - 22/10/2009 |
| Nome e tipo di istituto | Università degli Studi di Bari Aldo Moro - II Facoltà di Scienze MM.FF.NN. |
| Corso | Corso di Laurea in Informatica e Comunicazione Digitale |
| Qualifica Conseguita | Laurea di primo livello - Votazione 110/110 e lode e plauso accademico - Media voti 30/30 |
| Titolo Tesi | M.A.R.S. - Monitoraggio Ambientale con Reti di Sensori - Progetto e Sviluppo dell'applicazione |
| Argomento Tesi | Progettazione ed implementazione di una base di dati spaziale e di un'applicazione web per il monitoraggio in tempo reale di parametri ambientali (temperatura, umidità, gas, ecc.) attraverso l'uso di sensori, al fine di analizzare i dati raccolti e poter gestire in maniera efficiente eventi indesiderati quali incendi o fughe di gas. |
| Date | 2001 - 03/07/2006 |
| Nome e tipo di istituto | I.T.I.S A. Pacinotti (TA) |
| Corso | Indirizzo Informatica Abacus |
| Qualifica conseguita | Diploma di Perito Informatico Capotecnico - Votazione 100/100 |
| Date | 31/10/2002 |
| Nome e tipo di istituto | ForProgest - Digilab - Palagiano(TA) |
| Corso | Informatica di base - Suite Office - Internet ed email |
| Qualifica conseguita | ECDL Core - European Computer Driving Licence |

**Titolarità di insegnamenti in corsi di dottorato**

- Machine Learning Settings for Big Data Analytics (3 CFU), Corso di Dottorato in Informatica e Matematica, XXXVIII Ciclo, Università degli Studi di Bari Aldo Moro, 2023 (titolarità per 1.5 CFU, 12 ore)
- Big Data Analytics (3 CFU) - Corso di Dottorato in Informatica e Matematica (Ciclo XXXV e XXXVI) - Università degli Studi di Bari Aldo Moro, 2021 (titolarità per 1.5 CFU, 12 ore)
- Security in Blockchain Technology (2 CFU, 16 ore) - Corso di Dottorato in Informatica e Matematica (Cicli XXXIV e XXXV), Università degli Studi di Bari Aldo Moro, 2020
- Laboratorio di Progettazione Web - Modulo Database Design (1 CFU, 8 ore) per il Percorso formativo per dottorande e dottorandi, Università degli Studi di Bari Aldo Moro, 2020
- Big Data Analytics (4 CFU) - Corso di Dottorato in Informatica e Matematica (Ciclo XXXIII e XXXIV) - Università degli Studi di Bari Aldo Moro, 2019 (titolarità per 2 CFU, 16 ore)

• Multi-relational Data Mining (3 CFU) - Corso di Dottorato in Informatica e Matematica (Ciclo XXXIII) - Università degli Studi di Bari Aldo Moro, 2018 (titolarità per 1.5 CFU, 12 ore)

• Big Data Analytics (4 CFU) - Corso di Dottorato in Informatica e Matematica (Ciclo XXXII) - Università degli Studi di Bari Aldo Moro, 2017 (titolarità per 2 CFU, 16 ore)

**Titolarità di insegnamenti in corsi di studio di I e II livello**

• Modelli dei Dati, A.A. 2025/2026, ING-INF/05, 6 CFU, 42 ore - Corso di Laurea Magistrale in Patrimonio Digitale. Musei, Archivi, Biblioteche - Università degli Studi di Bari Aldo Moro

• Gestione e Analisi di Big Data, A.A. 2025/2026, INF/01, 6 CFU (4+2), 62 ore - Corso di laurea Magistrale in Data Science - Università degli Studi di Bari Aldo Moro

• Algoritmi e Strutture Dati, A.A. 2025/2026, INF/01, 9 CFU (7+2), 86 ore - Corso di laurea triennale in Informatica - Università degli Studi di Bari Aldo Moro

• Modelli dei Dati, A.A. 2024/2025, ING-INF/05, 6 CFU, 42 ore - Corso di Laurea Magistrale in Patrimonio Digitale. Musei, Archivi, Biblioteche - Università degli Studi di Bari Aldo Moro

• Gestione e Analisi di Big Data, A.A. 2024/2025, INF/01, 6 CFU (4+2), 62 ore - Corso di laurea Magistrale in Data Science - Università degli Studi di Bari Aldo Moro

• Algoritmi e Strutture Dati, A.A. 2024/2025, INF/01, 9 CFU (7+2), 86 ore - Corso di laurea triennale in Informatica - Università degli Studi di Bari Aldo Moro

• Modelli dei Dati, A.A. 2023/2024, ING-INF/05, 6 CFU, 42 ore - Corso di Laurea Magistrale in Patrimonio Digitale. Musei, Archivi, Biblioteche - Università degli Studi di Bari Aldo Moro

• Gestione e Analisi di Big Data, A.A. 2023/2024, INF/01, 6 CFU (4+2), 62 ore - Corso di laurea Magistrale in Data Science - Università degli Studi di Bari Aldo Moro

• Algoritmi e Strutture Dati, A.A. 2023/2024, INF/01, 9 CFU (7+2), 86 ore - Corso di laurea triennale in Informatica - Università degli Studi di Bari Aldo Moro

• Gestione e Analisi di Big Data, A.A. 2022/2023, INF/01, 6 CFU (4+2), 62 ore - Corso di laurea Magistrale in Data Science - Università degli Studi di Bari Aldo Moro

• Algoritmi e Strutture Dati, A.A. 2022/2023, INF/01, 9 CFU (7+2), 86 ore - Corso di laurea triennale in Informatica - Università degli Studi di Bari Aldo Moro

• Gestione e Analisi di Big Data, A.A. 2021/2022, INF/01, 6 CFU (4+2) - Corso di laurea Magistrale in Data Science - Università degli Studi di Bari Aldo Moro (titolarità per 3 CFU di teoria + 1 CFU di laboratorio, 39 ore)

• Algoritmi e Strutture Dati, A.A. 2021/2022, INF/01, 9 CFU (7+2), 86 ore - Corso di laurea triennale in Informatica - Università degli Studi di Bari Aldo Moro

• Gestione e Analisi di Big Data, A.A. 2020/2021, INF/01, 6 CFU (4+2) - Corso di laurea Magistrale in Data Science - Università degli Studi di Bari Aldo Moro (titolarità per 4 CFU di teoria, 32 ore)

• Algoritmi e Strutture Dati, A.A. 2020/2021, INF/01, 9 CFU (7+2), 86 ore - Corso di laurea triennale in Informatica - Università degli Studi di Bari Aldo Moro

• Metodi Formali per la Sicurezza, A.A. 2019/2020, INF/01, 6 CFU (4+1+1) - Corso di laurea Magistrale in Sicurezza Informatica - Università degli Studi di Bari Aldo Moro, Sede di Taranto (titolarità per 1 CFU di teoria + 1 CFU di laboratorio, 23 ore)

• Algoritmi e Strutture Dati, A.A. 2019/2020, INF/01, 9 CFU (7+2), 86 ore - Corso di laurea triennale in Informatica - Università degli Studi di Bari Aldo Moro

• Basi di Dati, A.A. 2018/2019, ING-INF/05, 9 CFU (7+2), 86 ore - Corso di laurea triennale in Informatica Comunicazione Digitale - Università degli Studi di Bari Aldo Moro, Sede di Taranto

• Basi di Dati, A.A. 2017/2018, INF/01, 9 CFU (7+2), 86 ore - Corso di laurea triennale in Informatica Comunicazione Digitale - Università degli Studi di Bari Aldo Moro, Sede di Taranto

• Basi di Dati, A.A. 2016/2017, INF/01, 9 CFU (7+2), 86 ore - Corso di laurea triennale in Informatica Comunicazione Digitale - Università degli Studi di Bari Aldo Moro, Sede di Taranto

• Programmazione II, A.A. 2015/2016, ING-INF/05, 9 CFU (7+2), 86 ore - Corso di laurea triennale in Informatica e Tecnologie per la Produzione del Software - Università degli Studi di Bari Aldo Moro

**Attività didattica integrativa in corsi di studio di I e II livello**

• Tutor (12 ore) per l'insegnamento di Basi di Dati + Laboratorio - A.A. 2014/2015 - Corso di laurea in Informatica e Comunicazione Digitale (Taranto) - Università degli Studi di Bari Aldo Moro

• Seminario per l'insegnamento di Basi di Dati II dal titolo "An introduction to Big Data Analytics" - A.A. 2013/2014 - Corso di laurea magistrale in Informatica - Università degli Studi di Bari Aldo Moro

• Tutor per l'insegnamento di Laboratorio di Architettura dei Sistemi - A.A. 2013/2014 - Corso di laurea triennale in Informatica e Comunicazione Digitale - Università degli Studi di Bari Aldo Moro

• Tutor per Programmazione II (Laboratorio) - A.A. 2012/2013 e 2013/2014 - Corso di laurea triennale in Informatica e Tecnologie per la Produzione del Software - Università degli Studi di Bari Aldo Moro

**Altra attività didattica**

• Docente del Modulo A9. Practing Data Science (5 ore) - Master di II livello in Data Science 2023/2024, Università degli Studi di Bari Aldo Moro

• Docente del Modulo A3. Data Management e Business Intelligence (13 ore) - Master di II livello in Data Science 2023/2024, Università degli Studi di Bari Aldo Moro

• Docente del Modulo n.8 - Practicing Data Science (9 ore) - Master di II livello in Data Science 2022/2023, Politecnico di Bari

• Docente invitato (4 ore) per la Training School for COST Action CA18131 ML4Microbiome, International University of Sarajevo, Bosnia & Herzegovina, 2-4 Settembre 2019. L'intervento del candidato, intitolato "Structured Output Prediction" è stato rivolto a circa 40 partecipanti, tra cui studenti di dottorato, ricercatori e professori universitari, provenienti da tutti gli stati europei afferenti al programma COST, che lavorano nei campi del machine learning e della biologia.

• Tutor (35 ore) del corso di addestramento del Progetto Cyber-Challenge.IT 2019. Dipartimento di Informatica - Università degli Studi di Bari Aldo Moro.

• Docente (40 ore) del corso teorico e pratico per l'utilizzo del software QGIS effettuato nell'ambito della convenzione del Dipartimento di Informatica con il Comune di Bari per la formazione dei dipendenti comunali su QGIS. Dipartimento di Informatica - Università degli Studi di Bari Aldo Moro, 2017.

• Docente (20 ore) del corso ORACLE BI - Piano competenze per l'innovazione digitale, SPEGEA S.c.ar.l. - Scuola di Management - Via Amendola 172/c - Executive Center - 70126 Bari, 2016.

• Docente (18 ore) nell'ambito della realizzazione dell'attività "Professionisti per la ricerca e lo sviluppo di sistemi di supporto alle decisioni per la gestione delle emergenze - Programma Operativo Nazionale: ricerca e competitività 2007-2013 - Regioni di convergenza - Asse I - Sostegno ai mutamenti strutturali (730/KR/PON 2007-2013 SELEX)". SPEGEA S.c.ar.l. - Scuola di Management - Via Amendola 172/c - Executive Center - 70126 Bari, 2012.

**Attività di ricerca presso qualificati istituti italiani o stranieri**

| | |
|---|---|
| Date | 07/02/2022 - 06/02/2025 |
| Lavoro o posizione ricoperti | Ricercatore a Tempo Determinato (RTD-B) |
| Nome del datore di lavoro | Dipartimento di Informatica, Università degli Studi di Bari |
| Date | 29/07/2019 - 06/02/2022 |
| Lavoro o posizione ricoperti | Ricercatore a Tempo Determinato (RTD-A) |
| Nome del datore di lavoro | Dipartimento di Informatica, Università degli Studi di Bari |

| | |
|---|---|
| Tipo di attività o settore | Progetto PON AIM1852414-1 per lo sviluppo di metodi di Big Data Analytics (BDA) disponibili come servizi. |
| Date | 01/03/2021 - 15/09/2021 |
| Lavoro o posizione ricoperti | Visiting Researcher |
| Nome del datore di lavoro | Teesside University, Middlesbrough (Regno Unito) |
| Tipo di attività o settore | Sviluppo di metodi di transfer learning per la ricostruzione di reti di regolazione genica. |
| Date | 05/02/2020 - 05/08/2020 |
| Lavoro o posizione ricoperti | Visiting Researcher |
| Nome del datore di lavoro | Jozef Stefan Institute, Ljubljana (Slovenia) |
| Tipo di attività o settore | Sviluppo di metodi di Big Data Analytics per l'analisi di dati relazionali e relativi al microbioma umano. |
| Date | 01/03/2019 - 28/07/2019 |
| Lavoro o posizione ricoperti | Assegnista di Ricerca |
| Nome e indirizzo del datore di lavoro | Dipartimento di Informatica - Università degli Studi di Bari Aldo Moro |
| Tipo di attività o settore | Ricerca in "Ottimizzazione di reti elettriche mediante algoritmi di machine learning" nel contesto del progetto PON "ComESto - Community Energy Storage: Gestione Aggregata di Sistemi d'Accumulo dell'Energia in Power Cloud" - Grant no. ARS01 01259 |
| Date | 02/02/2015 - 31/01/2019 |
| Lavoro o posizione ricoperti | Assegnista di Ricerca |
| Nome e indirizzo del datore di lavoro | Dipartimento di Informatica - Università degli Studi di Bari Aldo Moro |
| Tipo di attività o settore | Ricerca in "Apprendimento di output strutturato da dati organizzati a rete mediante tecniche di semi-supervised learning" nel contesto del progetto Europeo "MAESTRA - Learning from Massive, Incompletely annotated, and Structured Data" - Grant no. 325122 |
| Date | 13/02/2019 - 12/04/2019 |
| Lavoro o posizione ricoperti | Collaboratore Autonomo |
| Nome e indirizzo del datore di lavoro | Dipartimento di Informatica - Università degli Studi di Bari Aldo Moro |
| Tipo di attività o settore | Contratto di lavoro autonomo occasionale finanziato su fondi del progetto di ricerca PON VINCENTE (PON02_00563_3470993) per lo sviluppo di un sistema di ensemble learning per la classificazione multi-tipo in reti eterogenee. |
| Date | 25/10/2017 - 11/12/2017 |
| Lavoro o posizione ricoperti | Collaboratore Autonomo |
| Nome e indirizzo del datore di lavoro | Dipartimento di Studi Umanistici (DISUM) - Università degli Studi di Bari Aldo Moro |
| Tipo di attività o settore | Contratto di lavoro autonomo occasionale finanziato su fondi del progetto di ricerca europeo EAGLE (Grant no: 325122) per l'esecuzione di modifiche strutturali, in funzione dell'aggiornamento e miglioramento delle potenzialità di uso dell'Epigraphic Database Bari (EDB) [www.edb.uniba.it], sia sul versante dell'alimentazione della banca dati epigrafica sia sul versante della ricerca, in piena compatibilità e interoperabilità con il portale esistente dell'Europeana network of Ancient Greek and Latin Epigraphy (EAGLE). |
| Date | 17/07/2017 - 16/08/2017 |
| Lavoro o posizione ricoperti | Collaboratore Autonomo |
| Nome e indirizzo del datore di lavoro | Dipartimento di Studi Umanistici (DISUM) - Università degli Studi di Bari Aldo Moro |

| | |
|---|---|
| Tipo di attività o settore | Contratto di lavoro autonomo occasionale finanziato su fondi del progetto di ricerca PRIN 2015 "False testimonianze. Copie, contraffazioni, manipolazioni e abusi del documento epigrafico" per la realizzazione della struttura di una banca dati on line destinata alla informatizzazione di documenti epigrafici contraffatti di epoca moderna, pienamente compatibile e interoperabile con il portale dell'Europeana network of Ancient Greek and Latin Epigraphy (EAGLE). |
| Date | 01/06/2017 - 30/06/2017 |
| Lavoro o posizione ricoperti | Collaboratore Autonomo |
| Nome e indirizzo del datore di lavoro | Dipartimento di Scienze dell'Antichità - Università degli Studi di Roma "La Sapienza" |
| Tipo di attività o settore | Contratto di lavoro autonomo occasionale finanziato su fondi del progetto di ricerca PRIN 2015 "False testimonianze. Copie, contraffazioni, manipolazioni e abusi del documento epigrafico" per l'elaborazione di una banca dati destinata alla informatizzazione di iscrizioni post antiche compatibile con il portale EAGLE. |
| Date | 22/02/2014 - 01/02/2015 |
| Lavoro o posizione ricoperti | Collaboratore |
| Nome e indirizzo del datore di lavoro | Dipartimento di Scienze dell'Antichità e del Tardoantico - Università degli Studi di Bari Aldo Moro |
| Tipo di attività o settore | Contratto di Collaborazione Coordinata e Continuativa finanziato su fondi del progetto di ricerca europeo EAGLE (Grant no. 325122) per la progettazione, lo sviluppo e la manutenzione del database Epigraphic Database Bari (EDB). |
| Date | 02/02/2014 - 29/05/2014 |
| Nome e tipo di istituto | Internship presso Jozef Stefan Institute, Ljubljana (Slovenia) |
| Principali tematiche/competenze trattate | Sviluppo di metodi di Structured Output Prediction, con particolare riferimento al task di Gene Network Reconstruction. |

## Indicatori bibliometrici

| | |
|---|---|
| Scopus | H-index: **23**. Documenti indicizzati: **78**. Citazioni: **1271** |
| Google Scholar | H-index: **23**. Documenti indicizzati: **111**. Citazioni: **1573** |

## Pubblicazioni su Riviste Internazionali

• [IJ41] V. Buttaro, A. Pellicani, **G. Pio**, D. D'Elia, C. Pizzulli, M. Ceci, A novel graph-based patient embedding method for the diagnosis of Alzheimer's disease from microRNA expression data, Data Mining and Knowledge Discovery, Volume 40, Article number 112, 2026, **Scopus Citescore: 9.7**

• [IJ40] A. Pellicani, **G. Pio**, S. Džeroski, M. Ceci, Dynamic instance weighting for online learning in multi-cryptocurrency price and trend forecasting, Data Mining and Knowledge Discovery, Volume 40, Article number 58, 2026, **Scopus Citescore: 9.7**

• [IJ39] G. De Martino, P. Marra, A. D'Aversa, L. Pulito, A. Pellicani, **G. Pio**, M. Ceci, Leveraging textual content, citational aspects and dissenting opinions through a multi-view contrastive learning methodology for legal precedent analysis, Computer Law & Security Review, 60, 2026, **Scopus Citescore: 6.6**

• [IJ38] S. Polimena, **G. Pio**, G. Attolico, M. Ceci , Handling complex backgrounds and light perturbations for enhancing learning tasks from images of vegetables, Journal of Intelligent Information Systems, 64: 215?238, 2026, **Scopus Citescore: 8.1**

• [IJ37] A. D'Aversa, **G. Pio**, M. Ceci, Modeling spatio-temporal locality in multi-step forecasting of geo-referenced time series, Machine Learning, 114:231, 2025, **Scopus Citescore: 8.6**

• [IJ36] F. Benedetti, A. Pellicani, **G. Pio**, M. Ceci, IMMENSE: Inductive Multi-perspective User Classification in Social Networks, Online Social Networks and Media, 50:100335, 2025, **Scopus Citescore: 14.0**

• [IJ35] S. Polimena, **G. Pio**, M. Cefola, M. Palumbo, M. Ceci, G. Attolico, A novel random forest-based approach for the non-destructive and explainable estimation of ammonia and chlorophyll in fresh-cut rocket leaves, Information Processing in Agriculture, 12:2, 2025, **Scopus Citescore: 20.4**

• [IJ34] A. Pellicani, **G. Pio**, M. Ceci, CARROT: Simultaneous prediction of anomalies from groups of correlated cryptocurrency trends, Expert Systems with Applications, 260, 125457, 2025, **Scopus Citescore: 15.0**

• [IJ33] A. Simeon, M. Radovanovic, T. Loncar-Turukalo, M. Ceci, S. Brdar, **G. Pio**, Multiclass boosting for the analysis of multiple incomplete views on microbiome data, BMC Bioinformatics 25, Article Number: 188, 2024, **Scopus CiteScore: 5.7**

• [IJ32] P. Mignone, **G. Pio**, M. Ceci, Distributed Heterogeneous Transfer Learning, Big Data Research, doi: 10.1016/j.bdr.2024.100456, 2024, **Scopus CiteScore: 8.3**

• [IJ31] R. Corizzo, **G. Pio**, E. P. Barracchia, A. Pellicani, N. Japkowicz, M. Ceci, HURI: Hybrid user risk identification in social networks, World Wide Web, 26:5, pp. 3409-3439, 2023, **Scopus CiteScore: 7.2**

• [IJ30] D. D'Elia, J. Truu, L. Lahti, et al., Advancing microbiome research with machine learning: key findings from the ML4Microbiome COST action, Frontiers in Microbiology, 14, 1257002, 2023, **Scopus CiteScore: 7.7**

• [IJ29] Marcos-Zambrano, L.J., López-Molina, V.M., Bakir-Gungor, et al., A toolbox of machine learning software to support microbiome analysis, Frontiers in Microbiology, 14, 1250806, 2023, **Scopus CiteScore: 7.7**

• [IJ28] S. De Ruvo, **G. Pio**, G. Vessio, V. Volpe, Forecasting and what-if analysis of new positive COVID-19 cases during the first three waves in Italy, Medical & Biological Engineering & Computing, 66: 2051-2066, 2023, **Scopus CiteScore: 6.0**

• [IJ27] M. Bilancia, M. Di Nanni, F. Manca, **G. Pio**, Variational Bayes estimation of hierarchical Dirichlet-multinomial mixtures for text clustering, Computational Statistics, 38: 2015-2051, 2023, **Scopus CiteScore: 2.9**

• [IJ26] G. De Martino, **G. Pio**, M. Ceci, Multi-view overlapping clustering for the identification of the subject matter of legal judgments, Information Sciences, 638: 118956, 2023, **Scopus CiteScore: 13.9**

• [IJ25] A. Pellicani, **G. Pio**, D. Redavid, M. Ceci, SAIRUS: Spatially-aware identification of risky users in social networks, Information Fusion, Vol 92, pp. 435-449, 2023, **Scopus CiteScore: 33.0**

• [IJ24] V. Merlo, **G. Pio**, F. Giusto, M. Bilancia, On the exploitation of the blockchain technology in the healthcare sector: A systematic review, Expert Systems with Applications, Vol 213, Part A, 118897, 2023, **Scopus CiteScore: 13.7**

• [IJ23] M. Petkovic, M. Ceci, **G. Pio**, B. Skrlj, K. Kersting, S. Dzeroski, Relational tree ensembles and feature rankings, Knowledge-Based Systems, 251: 109254, 2022, **Scopus CiteScore: 12.3**

• [IJ22] E. Barracchia, **G. Pio**, A. Bifet, H. Gomes, B. Pfahringer, M. Ceci, LP-ROBIN: Link prediction in dynamic networks exploiting incremental node embedding, Information Sciences, 606: 702-721, 2022, **Scopus CiteScore: 13.4**

• [IJ21] **G. Pio**, P. Mignone, G. Magazzù, G. Zampieri, M. Ceci, C. Angione, Integrating genome-scale metabolic modelling and transfer learning for human gene regulatory network reconstruction, Bioinformatics, 38(2): 487-493, 2022, **Scopus CiteScore: 12.2**

• [IJ20] S. Hess, **G. Pio**, M. Hochstenbach, M. Ceci, BROCCOLI: overlapping and outlier-robust biclustering through proximal stochastic gradient descent, Data Mining and Knowledge Discovery, 35: 2542-2576, 2021, **Scopus CiteScore: 8.3**

• [IJ19] G. De Martino, **G. Pio**, M. Ceci, PRILJ: an efficient two-step method based on embedding and clustering for the identification of regularities in legal case judgments, Artificial Intelligence and Law, DOI: 30: 359-390, 2021, **Scopus CiteScore: 7.5**

• [IJ18] I. Moreno-Indias et al., Statistical and Machine Learning Techniques in Human Microbiome Studies: Contemporary Challenges and Solutions, Frontiers in Microbiology, 2021, 12, 277, **Scopus CiteScore: 7.3**

• [IJ17] P. Mignone, **G. Pio**, S. Dzeroski, M. Ceci, Multi-task learning for the simultaneous reconstruction of the human and mouse gene regulatory networks, Scientific Reports 10, 22295, 2020, **Scopus CiteScore: 7.1**

• [IJ16] M. Ceci, R. Corizzo, N. Japkowicz, P. Mignone, **G. Pio**, ECHAD: embedding-based change detection from multivariate time series in smart grids, IEEE Access, 8:156053-156066, 2020, **Scopus CiteScore: 4.8**

• [IJ15] E. Barracchia, **G.Pio**, D. D'Elia, M. Ceci, Prediction of new associations between ncRNAs and diseases exploiting multi-type hierarchical clustering, BMC Bioinformatics 21, 70, 2020, **Scopus CiteScore: 5.7**

• [IJ14] **G. Pio**, M. Ceci, F. Prisciandaro, D. Malerba, Exploiting causality in gene network reconstruction based on graph embedding, Machine Learning, 109(6): 1231-1279, 2020. **Scopus CiteScore: 6.1**

• [IJ13] P. Mignone, **G. Pio**, D. D'Elia, M. Ceci, Exploiting Transfer Learning for the Reconstruction of the Human Gene Regulatory Network, Bioinformatics 36(5): 1553-1561, 2020. **Scopus CiteScore: 9.9**

• [IJ12] R. Corizzo, **G. Pio**, M. Ceci, D. Malerba, DENCAST: Distributed Density-Based Clustering for Multi-Target Regression, Journal of Big Data, 2019 6:43. **Scopus CiteScore: 8.6**

• [IJ11] F. Serafino, **G. Pio**, M. Ceci, Ensemble Learning for Multi-type Classification in Heterogeneous Networks, IEEE Transactions on Knowledge and Data Engineering, 30(12): 2326-2339, 2018. **Scopus CiteScore: 13.3**

• [IJ10] **G. Pio**, F. Serafino, D. Malerba, M. Ceci, Multi-type clustering and classification from heterogeneous networks, Information Sciences, 425:107-126, 2018. **Scopus CiteScore: 12.1**

• [IJ09] M. Ceci, **G. Pio**, V. Kuzmanovski, S. Dzeroski, Semi-Supervised Multi-View Learning for Gene Network Reconstruction, PLoS One 10(12): e0144031, 2015. **Scopus CiteScore: 5.3**

• [IJ08] N. Del Buono, **G.Pio**, Non-Negative Matrix Tri-Factorization for co-clustering: an analysis of the block matrix, Information Sciences, 301:13-26, 2015. **Scopus CiteScore: 12.1**

• [IJ07] **G. Pio**, M. Ceci, D. D'Elia, D. Malerba, ComiRNet: a Web-based System for the Analysis of miRNA-gene Regulatory Networks, BMC Bioinformatics 16 (Suppl 9), S7, 2015. **Scopus CiteScore: 5.7**

• [IJ06] **G. Pio**, F. Fumarola, A.E. Felle, D. Malerba, M.Ceci, Discovering Novelty Patterns from the Ancient Christian Inscriptions of Rome, ACM Journal on Computing and Cultural Heritage, 7(4):22, 2014. **Scopus CiteScore: 4.6**

• [IJ05] **G. Pio**, M. Ceci, D. D'Elia, D. Malerba, Integrating microRNA target predictions for the discovery of gene regulatory networks: a semi-supervised ensemble learning approach, BMC Bioinformatics 15 (Suppl 1), S4, 2014. **Scopus CiteScore: 5.7**

• [IJ04] **G. Pio**, M. Ceci, D. D'Elia, C. Loglisci, D. Malerba, A novel biclustering algorithm for the discovery of meaningful biological correlations between miRNAs and mRNAs, BMC Bioinformatics 14 (Suppl 7), S8, 2013. **Scopus CiteScore: 5.7**

• [IJ03] P. Molino, **G. Pio**, C. Mencar, Fast Fuzzy Inference in Octave, International Journal of Computational Intelligence Systems, 6 (2), pp. 307-317, 2013. **Scopus CiteScore: 3.1**

• [IJ02] **G. Pio**, M. Ceci, D. D'Elia, C. Loglisci, D. Malerba, A novel biclustering algorithm for the discovery of meaningful biological correlations between miRNAs and mRNAs, Abstract on EMBnet. journal 18 (A), pp. 43-44, 2012

• [IJ01] **G. Pio**, M. Ceci, D. D'Elia, C. Loglisci, D. Malerba, The integration of microRNA target data by biclustering techniques opens new roads for signaling networks analysis, Abstract on EMBnet. journal 18 (B), pp. 142-144, 2012

**Pubblicazioni in Conferenze Internazionali**

• [IC11] G. De Martino, **G. Pio**, Identification of Paragraph Regularities in Legal Judgements Through Clustering and Textual Embedding, ISMIS 2022, pp. 74-84, 2022

• [IC10] A. D'Aversa, S. Polimena, **G. Pio**, M. Ceci, Leveraging Spatio-Temporal Autocorrelation to Improve the Forecasting of the Energy Consumption in Smart Grids, Discovery Science 2022, pp. 141-156, 2022

• [IC09] R. Corizzo, M. Ceci, **G. Pio**, P. Mignone, N. Japkowicz, Spatially-Aware Autoencoders for Detecting Contextual Anomalies in Geo-Distributed Data, Proc. of 24th International Conference on Discovery Science (DS 2021), LNCS 12986, pp. 461-471, 2021

• [IC08] P. Mignone, **G. Pio**, Positive Unlabeled Link Prediction via Transfer Learning for Gene Network Reconstruction. Proc. of 24th International Symposium on Methodologies for Intelligent Systems (ISMIS 2018), pp. 13-23, 2018

• [IC07] E. Barracchia, **G. Pio**, D. Malerba, M. Ceci, Identifying lncRNA-Disease Relationships via Heterogeneous Clustering, Proc. of 6th International Workshop on New Frontiers in Mining Complex Patterns - Workshop at the European Conference on Machine Learning and Principles and Practice of Knowledge Discovery in Databases (ECML-PKDD 2018), pp. 35-48, 2018

• [IC06] **G. Pio**, M. Ceci, F. Prisciandaro, D. Malerba, LOCANDA: Exploiting Causality in the Reconstruction of Gene Regulatory Networks. Proc. of 20th International Conference on Discovery Science (DS 2017), LNCS 10558, pp. 283-297, 2017

• [IC05] F. Serafino, **G. Pio**, M. Ceci, D. Malerba, Hierarchical Multidimensional Classification of web documents with MultiWebClass, Proc. of 18th International Conference on Discovery Science (DS 2015), LNCS 9356, pp. 236-250, 2015

• [IC04] M. Ceci, **G. Pio**, A. Rocco, Improving Text-based Search of Inscriptions, International Conference on Information Technologies for Epigraphy and Digital Cultural Heritage in the Ancient World (EAGLE 2014 International Conference), Paris, 2014

• [IC03] **G. Pio**, M. Ceci, D. D'Elia, D. Malerba, Network Reconstruction for the Identification of miRNA:mRNA Interaction Networks, European Conference on Machine Learning and Principles and Practice of Knowledge Discovery in Databases (ECML-PKDD 2014), LNCS 8726, pp. 508-511, 2014

• [IC02] **G. Pio**, P. F. Lanotte, M. Ceci, D. Malerba, Mining Temporal Evolution of Entities in a Stream of Textual Documents, Proc. of 21th International Symposium on Methodologies for Intelligent Systems (ISMIS 2014), pp. 50-60, 2014

• [IC01] **G. Pio**, M. Ceci, D. D'Elia, C. Loglisci, D. Malerba, Hierarchical and Overlapping Co-Clustering of mRNA:miRNA Interactions, Proc. of 20th European Conference on Artificial Intelligence (ECAI 2012), pp. 654-659, 2012

## Pubblicazioni in Conferenze Nazionali

• [NC13] A. Pellicani, **G. Pio**, M. Ceci, A Multi-Perspective Approach for Risky User Identification in Social Networks (Discussion Paper), Italian Symposium on Advanced Database Systems (SEBD), 2023

• [NC12] P. Mignone, **G. Pio**, M. Ceci, Distributed Heterogeneous Transfer Learning (Disc. Paper), Italian Symposium on Advanced Database Systems (SEBD), 2022

• [NC11] G. de Martino, **G. Pio**, M. Ceci, A Two-Step Method based on Embedding and Clustering to Identify Regularities in Legal Case Judgements (Discussion Paper), Italian Symposium on Advanced Database Systems (SEBD), 2021

• [NC10] E. P. Barracchia, **G. Pio**, D. D'Elia, M. Ceci, Prediction of New Associations between ncRNAs and Diseases Exploiting Multi-Type Hierarchical Clustering (Discussion Paper), Italian Symposium on Advanced Database Systems (SEBD), 2020

• [NC9] P. Mignone, **G. Pio**, M. Ceci, Positive Unlabeled Link Prediction via Transfer Learning for Gene Network Reconstruction (Discussion Paper), Italian Symposium on Advanced Database Systems (SEBD), 2019

• [NC8] F. Serafino, **G. Pio**, M. Ceci, Ensemble Learning for Multi-type Classification in Heterogeneous Networks (Discussion Paper), Italian Symposium on Advanced Database Systems (SEBD), 2018

• [NC7] R. Corizzo, **G. Pio**, M. Ceci, D. Malerba, Forecasting via Distributed Density-Based Clustering (Discussion Paper), Italian Symposium on Advanced Database Systems (SEBD), 2017, pp. 57-64

• [NC6] F. Serafino, **G. Pio**, D. Malerba, M. Ceci, Multi-Type Classification from Heterogeneous Networks (Discussion Paper), Italian Symposium on Advanced Database Systems (SEBD), 2016, pp. 102-109

• [NC5] M. Ceci, **G. Pio**, V. Kuzmanovski, S. Dzeroski, Semi-Supervised Multi-View Learning for Gene Network Reconstruction (Discussion Paper), Italian Symposium on Advanced Database Systems (SEBD), 2016, pp. 198-205

• [NC4] **G. Pio**, M. Ceci, D. D'Elia, D. Malerba, Learning to Combine miRNA Target Predictions: a Semi-supervised Ensemble Learning Approach (discussion paper), Italian Symposium on Advanced Database Systems (SEBD), 2014, pp. 21-28

• [NC3] **G. Pio**, M. Ceci, D. D'Elia, C. Loglisci, D. Malerba, HOCCLUS2: A Biclustering Algorithm for the Discovery of miRNA:mRNA regulatory modules (discussion paper), Italian Symposium on Advanced Database Systems (SEBD), 2013, pp. 445-452

• [NC2] F. Fumarola, **G. Pio**, A. E. Felle, D. Malerba, M. Ceci, EDB: Knowledge technologies for ancient Greek and Latin epigraphy, Italian Research Conference on Digital Libraries (IRCDL 2013), IRCDL 2013, CCIS 385, pp. 29-40. Springer, Heidelberg (2014)

• [NC1] **G. Pio**, M. Ceci, D. Malerba, Mining temporal evolution of criminal behaviors, Italian Symposium on Advanced Database Systems (SEBD), 2012, pp. 221-232

## Attività progettuale

• **PNRR CN3 RNA - National Center for Gene Therapy and Drugs based on RNA Technology (CUP: H93C22000430007)**. Ruolo: **membro della massa critica**. Il Dott. Gianvito Pio si è occupato/si occupa della concettualizzazione e sviluppo di metodi di machine learning per l'analisi di dati biologici, per supportare lo sviluppo di nuovi farmaci a RNA/DNA.

• **PNRR Future AI Research (PE00000013), Spoke 6 - Symbiotic AI, CUP: H97G22000210007**. Ruolo: **membro della massa critica e CO-PI del WP 6.6**. Il Dott. Gianvito Pio si è occupato/si occupa della concettualizzazione e sviluppo di metodi di intelligenza artificiale sostenibili, in termini di risorse umane necessarie al collezionamento ed etichettatura dei dati ed in termini di risorse computazionali necessarie all'apprendimento dei modelli.

• **PRIN 2022 "A framework for COntinuum COmputing WEARable Systems (COCOWEARS)" - codice identificativo MUR: 2022T2XNJE, CUP: H53D23003650001**. Ruolo: **responsabile di unità**. Il Dott. Gianvito Pio si è occupato/si occupa della concettualizzazione e sviluppo di metodi di machine learning efficienti per l'analisi di serie temporali multivariate e di metodi distribuiti, applicabili a dati provenienti da sensori e dispositivi indossabili.

• **COST Action CA18131 "Statistical and machine learning techniques in human microbiome studies".** Ruolo: **MC Substitute**. Il Dott. Gianvito Pio si è occupato della concettualizzazione e sviluppo di metodi di machine learning per l'analisi di dati relativi al microbioma umano, con particolare attenzione a metodi basati su multi-view learning.

• **PON Attraction and International Mobility (AIM) "Big Data Analytics" (Grant no: AIM 1852414-1, linea 1).** Ruolo: Ricercatore a Tempo Determinato (RTD-A) con ruolo di **Principal Investigator**. Il Dott. Gianvito Pio si è occupato/si occupa dello concettualizzazione e dello sviluppo di metodi di big data analytics che affrontino le diverse sfide poste dai Big Data, inclusi l'eterogeneità, il volume e la veridicità dei dati, nel risolvere diversi task quali clustering, classificazione, link prediction, regressione, sia single-target che multi-target. Nell'ambito del progetto, il Dott. Gianvito Pio ha prodotto numerose pubblicazioni su riviste ad alto impact factor [IJ13-IJ20].

• **Progetto Europeo MAESTRA - Learning from Massive, Incompletely annotated, and Structured Data (Grant no: ICT-2013-612944).** Ruolo: assegnista di ricerca (02/02/2015 - 31/01/2019) con responsabilità dell'unità operativa per l'attività 3.3 "Link prediction in multi-type networks". Il Dott. Gianvito Pio: ha sviluppato metodi di machine learning in grado di lavorare su grandi moli di dati, anche parzialmente etichettati (setting semi-supervised), proponendo diverse applicazioni nel campo della bioinformatica; è co-autore di rapporti tecnici e co-autore di pubblicazioni scientifiche a congressi e riviste internazionali che riportano risultati relativi al progetto; ha partecipato a numerosi meeting internazionali con i partner di progetto, per presentare i risultati delle attività del gruppo KDDE; ha presentato il lavoro svolto durante la review finale del progetto, che si è conclusa con una valutazione Eccellente.

• **Progetto Europeo EAGLE - Europeana network of Ancient Greek and Latin Epigraphy (Grant no: 325122)**. Ruolo: collaboratore con contratto di collaborazione coordinata e continuativa (22/02/2014 - 01/02-2015) e collaboratore autonomo (25/10/2017 - 11/12/2017). Nell'ambito di questo progetto, mi sono occupato dello sviluppo di una banca dati relativa ad epigrafi greche e latine, con una sistema di ritrovamento avanzato, pienamente compatibile e interoperabile con il portale dell'Europeana network of Ancient Greek and Latin Epigraphy (EAGLE). Ho inoltre sviluppato metodi di Data Mining per l'individuazione di pattern emergenti, che descrivessero cambiamenti significativi, in termini linguistici e di tecniche utilizzate, in diversi periodi storici.

• **PRIN 2015 - False testimonianze. Copie, contraffazioni, manipolazioni e abusi del documento epigrafico**. Ruolo: collaboratore autonomo (01/06/2017 - 30/06/2017 e 17/07/2017 - 16/08/2017). Nell'ambito del progetto, il Dott. Gianvito Pio: ha curato la collaborazione con il Prof. Antonio Felle del Dip. di Studi Umanistici dell'Università degli Studi di Bari e con la Prof.ssa Silvia Orlandi dell'Università La Sapienza di Roma; ha sviluppato una banca dati relativa ad epigrafi false e contraffazioni, con una sistema di ritrovamento avanzato, pienamente compatibile e interoperabile con il portale EAGLE; ha presentato i risultati delle attività durante numerosi meeting internazionali con i partner di progetto.

• **PON "ComESto - Community Energy Storage: Gestione Aggregata di Sistemi d'Accumulo dell'Energia in Power Cloud" (Grant no. ARS01 01259).** Ruolo: assegnista di ricerca (01/03/2019 - 28/07/2019) con responsabilità dell'unità operativa per l'attività 6.4 "Applicazione di Machine learning e data mining a supporto della pianificazione e prototipazione del software". Nell'ambito del progetto, il Dott. Gianvito Pio: coordina la collaborazione con il partner e-distribuzione S.p.A, coordinatore del progetto; supervisiona lo sviluppo di metodi di ottimizzazione multi-obiettivo per l'individuazione degli interventi ottimali da eseguire su reti elettriche, per la minimizzazione di costi e perdite e massimizzazione dell'efficienza nelle micro-grid; supervisiona lo sviluppo di metodi di machine learning e data mining per la predizione della produzione, del consumo e del carico sulle componenti della rete; ha presentato e discusso i risultati delle attività del gruppo KDDE durante numerosi meeting con i partner di progetto.

• **MIUR STARTUP Vi-POC: Virtual Power Operation Center, D.D. n. 0002916, 18/12/2013**. Ruolo: dottorando con conferimento di incarico. Nell'ambito di questo progetto, mi sono occupato dello sviluppo di tecniche di predizione della produzione di energia da impianti fotovoltaici ed eolici, con l'obiettivo di minimizzare eventuali perdite economiche, in caso di sottostima, o l'applicazione di penali, in caso di sovrastima, nel mercato dell'energia.

• **Un ambiente virtuale di "Collective Intelligence" abilitante lo sviluppo di ecosistemi per l'imprenditorialità tecnologica sostenibile - VINCENTE (PON02_00563_3470993).** Ruolo: dottorando con conferimento di incarico. Nell'ambito di questo progetto, mi sono occupato dello studio di tecniche trasduttive per la classificazione di documenti e dello sviluppo di un sistema di ensemble learning per la classificazione multi-tipo in reti eterogenee.

• **L'ingegneria dei servizi internet-based per lo sviluppo strutturale di un territorio "intelligente" - PUGLIA@SERVICE (PON02_00563_3489339).** Ruolo: dottorando con conferimento di incarico. Nell'ambito di questo progetto, mi sono occupato dello sviluppo di tecniche di analisi di dati da offrire sottoforma di servizio (modello as-a-service).

## Partecipazioni come membro del comitato organizzatore

• Program Co-Chair - 5th Italian Conference on Big Data and Data Science (ITA DATA 2026), 10-12 November 2026 - Bari, Italy

• Workshop Track Co-Chair - European Conference on Machine Learning and Principles and Practice of Knowledge Discovery in Databases (ECML-PKDD 2026), September 7-11, 2026, Napoli, Italy

• Program Co-Chair - 28th International Conference on Discovery Science (DS 2025), 22-26 September 2025 - Ljubljana, Slovenia

• Local co-chair della 9th International School on Deep Learning (DeepLearn 2023), 3-7 Aprile 2023, Bari, Italia

• Membro del comitato organizzativo della 19h Annual Meeting of the Bioinformatics Italian Society (BITS 2023), 21-23 Giugno 2023, Bari, Italia

• Membro dell'Organizing Committee di Cyberchallenge 2020 - Consorzio CINI - Programma di formazione per i giovani talenti per identificare, attrarre, reclutare e collocare professionisti della sicurezza informatica. Team dell'Università degli Studi di Bari Aldo Moro, Marzo - Giugno 2020, Bari, Italia

• Membro dell'Organizing Committee dalla 16th Italian Research Conference on Digital Libraries, 30-31 Gennaio 2020, Bari, Italia

• Proceedings Chair dell'European Conference on Machine Learning and Principles and Practice of Knowledge Discovery in Databases (ECML-PKDD 2017), Skopje (Macedonia), September 18-22, 2017. Core Rank: A

• Membro dell'Organizing Committee della 3rd International Winter School on Big Data (Big Dat 2017), Università degli Studi di Bari Aldo Moro, Bari (Italia), 13-17 Febbraio, 2017

• Local Arrangement Chair di Discovery Science 2016, Bari (Italia), 19-21 Ottobre 2016. Core Rank: B

**Partecipazioni come membro di comitato editoriale**

• Lead Guest Editor della Special Issue "Discovery Science 2025" sulla rivista Machine Learning, Springer, ISSN: 1573-0565/0885-6125, **Scimago Rank: Q1 in Artificial Intelligence**

• Membro dell'Editorial Board della rivista Machine Learning, Springer, ISSN: 1573-0565/0885-6125, **Scimago Rank: Q1 in Artificial Intelligence**

• Membro dell'Editorial Board (Associate Editor) della rivista Expert Systems with Applications, Elsevier, ISSN: 1873-6793/0957-4174, **Scimago Rank: Q1 in Artificial Intelligence**

• Membro dell'Editorial Board (Associate Editor) della rivista BMC Bioinformatics, Springer, ISSN: 1471-2105, **Scimago Rank: Q1 in Computer Science Applications**

• Membro dell'Editorial Board (Associate Editor) della rivista Medical & Biological Engineering & Computing, Springer, ISSN: 1741-0444 / 0140-0118, **Scimago Rank: Q2 in Computer Science Applications**

• Membro dell'Editorial Board della rivista International Journal of Machine Learning and Computing, ISSN: 2010-3700

• Membro dell'Editorial Board della rivista International Journal of Future Computer and Communication, ISSN: 2010-3751

• Membro dell'Editorial Board di EMBnet.journal, la rivista ufficiale di EMBNet, l'associazione mondiale dei centri di ricerca sulla bioinformatica, ISSN: 2226-6089

• Topic Editor della rivista MDPI Sensors, ISSN: 1424-8220

• Guest Editor della Special Issue Geo-Distributed Big Data Analytics in Sensor Networks per la rivista MDPI Sensors, ISSN: 1424-8220

• Guest Topic Editor della Special Issue Plant Role in Human Gene Expression and Gut Microbiome Regulation per le riviste Frontiers in Genetics, ISSN: 1664-8021 e Frontiers in Nutrition, ISSN: 2296-861X

**Partecipazioni come membro del comitato di programma**

Si citano in ordine di prestigio (classificazione CORE, ove presente), le conferenze per le quali Gianvito Pio è stato membro del comitato di programma:

• AAAI Conference on Artificial Intelligence (AAAI 2018, AAAI 2020, AAAI 2021). Core Rank: A*

• International Joint Conference on Artificial Intelligence (IJCAI 2017, IJCAI 2018, IJCAI 2019, IJCAI 2020, IJCAI 2021, IJCAI 2022, IJCAI 2023, IJCAI 2024). Core Rank: A*

• International Conference of Data Mining (ICDM 2017,ICDM 2018, ICDM 2019,ICDM 2020,ICDM 2021,ICDM 2022,ICDM 2023,ICDM 2024). Core Rank: A*

• International Conference on Information and Knowledge Management (CIKM 2019). Core Rank: A

• European Conference on Machine Learning and Principles and Practice of Knowledge Discovery in Databases (ECML-PKDD 2016, ECML-PKDD 2017, ECML-PKDD 2018, ECML-PKDD 2019, ECML-PKDD 2020, ECML-PKDD 2021, ECML-PKDD 2022, ECML-PKDD 2023, ECML-PKDD 2024). Core Rank: A

• ECML-PKDD Workshop - New Frontiers in Mining Complex Patterns (NFMCP 2015, NFMCP 2016, NFMCP 2017, NFMCP 2018, NFMCP 2019, NFMCP 2020, NFMCP 2022, NFMCP 2023, NFMCP 2024). Core Rank (conferenza): A

• International Conference on Discovery Science (DS 2016, DS 2017, DS 2018, DS 2019, DS 2020, DS 2021, DS 2022, DS 2023, DS 2024). Core Rank: B

• Business Information Systems (BIS 2016, BIS 2017).

• International Symposium on Methodologies for Intelligent Systems (ISMIS 2018). Core Rank: C

• Artificial Intelligence and Knowledge Engineering (AIKE 2019, AIKE 2020)

• International Conference on Advanced Cognitive Technologies and Applications (COGNITIVE 2015, COGNITIVE 2016)

• International Conference on Advances in Databases, Knowledge and Data Applications(DBKDA 2017)

• International Conference on Data Analytics (2018, 2019, 2020, 2021)

• International Conference on Information Technologies for Epigraphy and Digital Cultural Heritage in the Ancient World (EAGLE 2014, 2015, 2016)

• International Conference on Machine Learning and Data Mining (MLDM 2019)

• International Joint Conference on Knowledge Discovery, Knowledge Engineering and Knowledge Management (KDIR 2016, KDIR 2017)

**Attività di revisione per progetti di ricerca**

• Reviewer di progetti di ricerca per la National Research, Development and Innovation Office (NRDI) - Ungheria, 2021

• Reviewer e Lead Reviewer di progetti di ricerca nell'ambito dell'Intelligenza Artificiale, per la Science Fund of the Republic of Serbia, 2020

**Attività di revisione per riviste internazionali**

• Agri GENE, ISSN: 2352-2151

• Algorithms, ISSN: 1999-4893

• Artificial Intelligence in Medicine, ISSN: 0933-3657

• BMC Bioinformatics, ISSN: 1471-2105

• Bioinformatics, ISSN: 1460-2059 / 1367-4803

• Computational Biology and Chemistry, ISSN: 1476-9271

• Computers, ISSN: 2073-431X

• Computer Methods and Programs in Biomedicine, ISSN: 0169-2607

• Data Mining and Knowledge Discovery, ISSN: 1384-5810 / 1573-756X

• Energies, ISSN: 1996-1073

• Expert Systems with Applications, ISSN: 0957-4174

• IEEE Access, ISSN: 2169-3536

• IEEE Transactions on Computational Biology and Bioinformatics, ISSN: 1545-5963

• IEEE Transactions on Knowledge and Data Engineering, ISSN 1041-4347

• IEEE Transactions on NanoBioscience, ISSN 1536-1241

• Information Sciences, ISSN: 0020-0255

• International Journal of Bioinformatics Research and Applications, ISSN: 1744-5493 / 1744-5485

• International Journal of Data Analysis Techniques and Strategies, ISSN: 1755-8069 / 1755-8050

• International Journal of Intelligent Information and Database Systems, ISSN: 1751-5866 / 1751-5858

• International Journal of Distributed Sensor Networks, ISSN: 1550-1329 / 1550-1477

• International Journal of Metadata, Semantics and Ontologies, ISSN 1744-263X / 1744-2621

• International Journal of Molecular Sciences, ISSN: 1422-0067 / 1661-6596

• ISPRS International Journal of Geo-Information, ISSN 2220-9964

• Journal of the American Statistical Association, ISSN: 0162-1459 / 1537-274X

• Journal of Biomedical and Health Informatics, ISSN: 2168-2194

• Journal of Computer and System Sciences, ISSN: 0022-0000

• Journal of Intelligent Information Systems, ISSN: 0925-9902 / 1573-7675

• Machine Learning Journal, ISSN: 0885-6125 / 1573-0565

• Mathematical and Computational Applications, ISSN:2297-8747 / ISSN 1300-686X

• Nucleic Acid Research, ISSN: 1362-4962 / 0305-1048

• PLOS One, ISSN: 1932-6203

• Remote Sensing, ISSN: 2072-4292

Alcune recenti attività di revisione (circa 130) sono certificate su Publons.

**Attività nell'ambito di Scuole di Dottorato**

• Membro del Consiglio di Dottorato in Informatica e Matematica, Università degli Studi di Bari Aldo Moro (Cicli XXXVIII, XXXIX e XL).

• Membro della Commissione di Valutazione dei candidati alla scuola di Dottorato in Informatica e Matematica - Ciclo XXXIX

• Membro della Commissione per la convalida di CFU agli studenti di Dottorato per insegnamenti seguiti in altre Università, all'estero e online.

• Supervisore di Veronica Buttaro, Corso di Dottorato in Informatica e Matematica (XXXIX ciclo), Università degli Studi di Bari

• Supervisore di Daniele Rosa, Corso di Dottorato in Informatica e Matematica (XXXVIII ciclo), Università degli Studi di Bari

• Co-supervisore di Annunziata D'Aversa, Corso di Dottorato in Informatica e Matematica (XXXVII ciclo), Università degli Studi di Bari

• Co-supervisore di Dottorato Valeria Merlo, Dottorato in Diritti, Economie e Culture del Mediterraneo (XXXVI Ciclo), Università degli Studi di Bari Aldo Moro

• Co-supervisore di Graziella De Martino, Corso di Dottorato in Informatica e Matematica (XXXV ciclo), Università degli Studi di Bari Aldo Moro

• Co-supervisore di Emanuele Pio Barracchia, Dottorato in Informatica e Matematica (XXXIII Ciclo), Università degli Studi di Bari Aldo Moro

• Membro della commissione di valutazione di Miriana Calvano, Corso di Dottorato in Informatica e Matematica (XXXIX ciclo), Università degli Studi di Bari

• Membro della commissione di valutazione di Gaetano Settembre, Corso di Dottorato in Informatica e Matematica (XXXVIII ciclo), Università degli Studi di Bari

**Relatore a conferenze nazionali e internazionali**

Il candidato ha presentato i seguenti lavori:

• **G.Pio**, Structured Output Prediction, Training School for COST Action CA18131 ML4Microbiome, International University of Sarajevo, Sarajevo, 2019

• **G. Pio**, E. Barracchia, P. Mignone, F. Prisciandaro, D. D'Elia, D. Malerba, M. Ceci, Data mining methods for the analysis of heterogeneous biological networks, CINI-InfoLife laboratory Workshop, Milano, 2018

• E. Barracchia, **G. Pio**, D. Malerba, M. Ceci, Identifying lncRNA-Disease Relationships via Heterogeneous Clustering, NFMCP@ECML/PKDD 2017, pp. 35-48, 2018

• F. Serafino, **G. Pio**, D. Malerba, M. Ceci, Multi-Type Classification from Heterogeneous Networks (Discussion Paper), Italian Symposium on Advanced Database Systems (SEBD), 2016

• M. Ceci, **G. Pio**, V. Kuzmanovski, S. Dzeroski, Semi-Supervised Multi-View Learning for Gene Network Reconstruction (Discussion Paper), Italian Symposium on Advanced Database Systems (SEBD), 2016

• **G. Pio**, F. Serafino, E. Barracchia, D. D'Elia, D. Malerba, M. Ceci, Multi-type Clustering for the Identification of lncRNA-disease Relationships, Workshop Reproducibility, standards and SOP in bioinformatics, Combined CHARM - EMBnet - NETTAB 2016 Workshop, Roma, Italia, 2016

• M. Ceci, **G. Pio**, A. Rocco, Improving Text-based Search of Inscriptions, International Conference on Information Technologies for Epigraphy and Digital Cultural Heritage in the Ancient World (EAGLE 2014 International Conference), Paris, 2014

• **G. Pio**, M. Ceci, D. D'Elia, D. Malerba, Network Reconstruction for the Identification of miRNA:mRNA Interaction Networks, Machine Learning and Knowledge Discovery in Databases, ECML-PKDD 2014, LNCS 8726, pp. 508-511, 2014

• **G. Pio**, P. F. Lanotte, M. Ceci, D. Malerba, Mining Temporal Evolution of Entities in a Stream of Textual Documents, International Symposium on Methodologies for Intelligent Systems (ISMIS), pp. 50-60, 2014

• **G. Pio**, M. Ceci, D. D'Elia, D. Malerba, Learning to Combine miRNA Target Predictions: a Semisupervised Ensemble Learning Approach, Italian Symposium on Advanced Database Systems (SEBD), Sorrento, Italia, 2014

• F. Fumarola, **G. Pio**, A. E. Felle, D. Malerba, M. Ceci, EDB: Knowledge technologies for ancient Greek and Latin epigraphy, all'Italian Research Conference on Digital Libraries (IRCDL), Roma, Italia, 2013.

• D. D'Elia, **G. Pio**, A two-stepped computational approach for miRNA-gene regulatory networks discovery, AllBio Bioinformatics Workshop on Evaluation of Test Cases, Milano, 2012.

## Terza Missione

• Co-fondatore e membro del Consiglio di Amministrazione della startup Sensitrust LTD, con sede in 24 Tax Suite 137 B Westlink House 981 Great West Road, Brentford, United Kingdom, TW8 9DN. Numero di registrazione: 12371894. Obiettivo della società è quello di fornire l'accesso a liberi professionisti, nonchè a piccole-medie imprese, a tecnologie basate su Intelligenza Artificiale e Blockchain. Il candidato ha presentato le attività progettuali di Sensitrust LTD, orientate all'adozione di tecnologie di Intelligenza Artificiale, alla conferenza Blockconf.digital. Il candidato è stato inoltre intervistato da importanti riviste online del settore Blockchain, per illustrare l'applicazione di metodi di Intelligenza Artificiale nell'ambito dell'attività della startup.

• Diretto collaboratore per i progetti di ricerca - convenzioni conto terzi "ML4Advertising" e "ML4Advertising 2" stipulati tra il Dipartimento di Informatica dell'Università degli Studi di Bari e HyperTV S.r.L., per lo sviluppo di algoritmi di Machine Learning per l'ottimizzazione degli schemi pubblicitari da utilizzare nel contesto del video on demand.

• Gianvito Pio ha contribuito allo sviluppo dei seguenti sistemi di apprendimento automatico, big data analytics, memorizzazione e ritrovamento di informazioni, liberamente disponibili alla comunità scientifica:
- **HOCCLUS/HOCCLUS2**: Hierarchical Overlapping Co CLUStering, disponibile all'indirizzo: http://www.di.uniba.it/~gianvitopio/systems/hocclus/index.html
- **Semi-supervised miRNA target prediction for HOCCLUS2**, disponibile all'indirizzo: http://www.di.uniba.it/~ceci/micFiles/systems/semisupervised_HOCCLUS2/index.html
- **ComiRNet, The Database of Predicted miRNAs Regulatory Networks**, disponibile all'indirizzo: http://comirnet.di.uniba.it/
- **GENERE (Multi-view learning for GEne NEtwork REconstruction)**, disponibile all'indirizzo: http://figshare.com/articles/Semi_supervised_Multi_View_Learning_for_Gene_Network_Reconstruction/1604827
- **HENPC (HEterogeneous Network Predictive Clustering)**, disponibile all'indirizzo: http://www.di.uniba.it/~gianvitopio/systems/henpc/index.html
- **Ensemble MT-MrSBC (Ensemble Multi-Type Classification)**, disponibile all'indirizzo: https://figshare.com/articles/Ensemble_MT-MrSBC_and_Ensemble_ST-MrSBC_systems/4334048/7
- **BioSfer (Biological Transfer Learning)**, disponibile all'indirizzo: http://www.di.uniba.it/~mignone/systems/biosfer/index.html
- **DENCAST (Distributed density-based clustering for multi-target regression**, disponibile all'indirizzo: http://www.di.uniba.it/~gianvitopio/systems/dencast/
- **EDB (Epigraphic Database Bari)**, disponibile all'indirizzo: https://www.edb.uniba.it/
- **EDF (Epigraphic Database Falsae)**, disponibile all'indirizzo: http://edf.unive.it/

## Premi e riconoscimenti nazionali e internazionali

• **Abilitazione Scientifica Nazionale alle funzioni di professore di I fascia di cui all'art. 16 della Legge n. 240/2010, Settore Scientifico Disciplinare INF/01.**

• **Abilitazione Scientifica Nazionale alle funzioni di professore di I fascia di cui all'art. 16 della Legge n. 240/2010, Settore Scientifico Disciplinare ING-INF/05.**

• Vincitore di un grant di €2.800 per lo svolgimento di una Short Term Scientific Mission (STSM) presso lo Jozef Stefan Institute, Ljubljana (Slovenia) dall'01/03/2020 al 31/03/2020, sullo studio di tecniche per la gestione dell'alta dimensionalità e del rumore nei dati sul microbioma, per la predizione dell'insorgenza del diabete di tipo 2.

• Vincitore di un grant di $20.000 per l'uso dei servizi Cloud Microsoft Azure, nell'iniziativa Azure4Research, a seguito dell'approvazione della proposta di attività nell'ambito "Data Science", intitolata "Distributed Analysis of Large-Scale Biological Networks", 2017/2018.

Il sottoscritto autorizza al trattamento dei dati personali, secondo quanto previsto dalla Legge 196/03.

Bari, 30/10/2026

